

09/674, 237

TABLE 1 Continued

	LEAARLKQKEQERKSLE-LEKQKED--AQRRV-QERDKQWLEHVQQEEQP	669
	: : : : : : : : : : : : : : : :	
	HKIKRDKLKEIERKRLEQIQKKLEDEAARKAKQGKENLWRESIRKEEEE	687
	RPRKPHEEDRLKREDSVRKKEAERAKPEMQDKQSRLFPHQEPAKLATO	
	: : : : : : : : : : :	
	KQK-----RLQEEKSQDKTQBEER-KAEA--KQSET-----	
SH3A	APWSTTEKGPLTISAQESVKVVYRYALYPFESRSHDEITIOPGDIVMVDE	769
	: : : : : : : : : : :	
	-----ASALVNRYRALYPFEARNHDEMSFSSGDIIOVDE	748
	SOTGEPGWLGGELKGKGTGWFPANYAEKIPENEVPTPAKPVTDLTSAPAPK	
	: : : : : : : : : : :	
	KTVGEPGWLYGSFOGKFGWFPNCNYVEKVLSS-----KALSPK	
	LALRETPAPLPVTSEPSITPPNNWADFSSTWPSSSNEKPETDNWDTWAAQ	869
	: : : : : : : : : :	
	KALLPPTVSLSATST-SSQPPASVTDYHNV---SFSNLTVNTTWQ-----	827
	PSLTVPAGQLRQRSAFTPATATGSSPSPVLGQGEKVEGLQAOALYPWRA	
	: : : : : : : : : :	
	-----QKSAFTRTVSPGSV-SPIHGQGOAVENLKAALCSWTA	
SH3B	KKDNLNFnKSDVITVLEOODMWWFGEVOGOKGWFPKSYVKLISGPVRKS	969
	: : : : : : : : : :	
	KKENHLNFSKHDVITVLEOOENWWFGEVHGRGWFPKSYVKLIPGNEVQR	914
	TSIDTGPTESPASLKRVASPAAKPAIP-GEEFIAMYTYESSEOGDLTFOO	
	: : : : : : : : : :	
	GEPEALYAATKKPTSTAYPVTSTAYPGEDYIALYSYSSVEPGDLTFTE	
SH3C	GDVIVVTKKDGDWWTTGTVGDKSGVFPNSYVRLKDSSEGTTAGKTGSLGKK	1068
	: : : : : : : : : :	
	GEEILVTOKDGEWWTGSIGERTGIFPSNYVRPKDQENFGNASKSGASNKK	1014
SH3D	PEIAQVIASYAATGPEOLTLAPGOLILIRKKNPGGWWEVELOARGKKROT	
	: : : : : : : : : :	
	PEIAOVTSAASGTEOLSLAPGOLILILKKNTSGWWOGELOARGKKROK	
	GWFPANYVKLLSPGTSKITPTELPKTAVQPAVCQVIGMYDYTAONDDELA	
	: : : : : : : : : :	
	GWFPASHVKLLGPSSERTMPT-----FHAVCQVIAMYDYMANNEDELN	
SH3E	FSKG0IINVLNKEDPDWWKGEVSGOVGLFPSNYVKLTDMDPSSQ	1213
	: : : : : : : : : :	
	FSKGOLINVMNKDDPDWWOGETNGLTGLFPSNYVKMTTSDPSQQWCADL	1157
	QALDTMQPTERKRQGYIHETIOTEERYMDDLQLFEQKTLL	1197